

Literatura

- [1] Bahbouhová-Musilová M.: *Hodnocení váhy rizikových faktorů pro vznik dědičného onemocnění*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 1993.
- [2] Csiszár I.: Information-type measures of divergence of probability distributions and indirect observations., *Studia Sci. Math. Hungar.* 2, 1967, 299–318.
- [3] Číhalová I.: *Vyšetřování závislosti výskytu onemocnění na imunogenetických faktorech*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 1987.
- [4] David A. P., Mortera J.: Coherent analysis of forensic identification evidence. *J. Roy. Statist. Soc. B* 58, 1996, 425–443.
- [5] De Mouzon A., Ohayon E., Ducos J., Hauptmann G.: Bf and C₄ markers for insulin-dependent diabetes in Basques. *Lancet* ii, 1364.
- [6] Deisingerová J.: *HLA antigeny jako rizikové faktory pro vznik inzulinově závislého diabetu mellitus*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 1993.
- [7] Ferák V., Sršeň Š.: *Genetika člověka*. 1. vydání, SPN, Bratislava 1981.
- [8] Gardner R. J., Sutherland G. R.: *Chromosome abnormalities and genetic counseling*. 2. vydání, Oxford University Press, New York 1996.

- [9] Havrda S., Charvát F.: Concept of structural α -entropy. *Kybernetika*, 3, 1967.
- [10] Hána I., Ivašková E., Dostál C.: *Hlavní histokompatibilní systém člověka (HLA) a nemoci*. Avicenum, Praha 1982.
- [11] Hoffee P. A.: *Medical molecular genetics*. 1. vydání, Port City Press, Baltimore 1998.
- [12] Hutcheson K.: A test for comparing diversities based on Shannon formula. *J. Theor. Biol.* 29, 1970, 151–154.
- [13] Chakraborty R.: *Generalized occupancy problem and its application in population genetics*. In: *Impact of Genetic Variation on Individuals Families and Populations*, 1991.
- [14] Chakraborty R., Rao C. R.: Measurement of genetic variation for evolutionary studies. *Statistical Methods in Biological and Medical Sciences*, Elsevier Science Publ. 1991, 271–316.
- [15] Johns D.: The other human genome: mitochondrial DNA and disease. *Nat. Med.* 2, 1996, 1065–1068.
- [16] Kimura M., Crow J. F.: The number of alleles that can be maintained in a finite population. *Genetics* 49, 1964, 725–738.
- [17] Kocmanová D.: *Studium vlivu genetických faktorů na vznik a vývoj některých onemocnění*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 1999.
- [18] Kolářková J.: *Stochastické metody pro identifikaci jedince na základě neúplné genetické informace*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 2000.
- [19] Kučerová R.: *Matematické modely v genetice*. Diplomová práce FEL ČVUT, vedoucí J. Zvárová, Praha 1992.
- [20] Kullback S.: *Information theory and statistics*. John Wiley & Sons, Inc., New York 1958.
- [21] Lange K.: *Mathematical and statistical methods for genetic analysis*. Springer-Verlag, New York 1997.

- [22] Lewontin R. C.: The apportionment of human diversity. *Evol. Biol.* 6, 1972, 381–389.
- [23] Lipovská J.: *Matematické modely dědičnosti některých one-mocnění a jejich praktické užití*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 1988.
- [24] Liu B. H.: *Statistical Genomics: Linkage, Mapping and QTL Analysis*. CRC Press LLC, Boca Raton 1998.
- [25] Magurran A. E.: *Ecological diversity and its measurement*. University Press, Princeton 1988.
- [26] Mála, V.: *Alelické frekvence ve vybraných variabilních genetických lokusech (VNTR, STR)*. Diplomová práce PřF UK, vedoucí I. Mazura, Praha 2000.
- [27] Mareš M.: *Ekologická diversita jako statistický pojem*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí K. Zvára, Praha 1984.
- [28] Mitelman F.: *Catalog of chromosome aberrations in cancer*. 5. vydání, Wiley-Liss, New York 1995.
- [29] The affected sib method I: Statistical features of the affected sib pair method. *Genetics*, 1985, 110.
- [30] Nei M.: Genetic distance between populations. *Amer. Mat.* 106, 1972, 283–292.
- [31] Nei M.: *Molecular evolutionary genetics*. Columbia University Press, New York 1987.
- [32] Nei M., Chakraborty R., Fuesrt, P.: Infinite allele model with varying mutation rate. *Proc. Nat. Acad. Sci.* 73, 1976, 4164–4168.
- [33] Nei M., Roychoudhury A. K.: Sampling variance of heterozygosity and genetic distance. *Genetics* 76, 1974, 379–390.
- [34] Office of Technology Assessment Task Force: *Identifying and regulating carcinogens*. Lewis Publishers, Chelsea 1988.
- [35] Ott J.: *Analysis of human genetic linkage*. Johns Hopkins University Press, Baltimore 1991.

- [36] Peltomaki P., Aaltonen L. A., Sistonen P.: Genetic mapping of locus predisposing to human colorectal cancer. *Science* 260, 1993, 810–812.
- [37] Perez A.: Matematická teorie informace. *Aplikace matematiky* 3, 1958.
- [38] Rao C.R.: *Diversity and dissimilarity coefficients. A unified approach*. *Theor. Pop. Biol.* 21, 1982, 24–43.
- [39] Řihošková V.: *Frekvence alel ve vybraných lokusech VNTR v české populaci*. Diplomová práce PeF UK, vedoucí I. Mazura, V. Přívratský, Praha 2000.
- [40] Sandberg A. A.: *The chromosomes in human cancer and leukemia*. 2. vydání, Elsevier, New York 1990.
- [41] Scriver C. C., Beaudet, W. S., Sly, W. S. (editoři): *The metabolic and molecular bases of inherited disease*. 7. vydání, McGraw-Hill, New York, 1995.
- [42] Shannon C.: A mathematical theory of communication. *Bell Syst. Tech. J.* 27, 379 (I), 623 (II), 1948.
- [43] Soukup F., Barvič M.: Estimation of the probability of paternity III. *Acta Univ. Carol. Medica* 16, 1970, 225.
- [44] Soukupová M., Soukup F.: *Kapitoly z lékařské biologie II*. Karolinum, Praha 2000.
- [45] Stryer L.: *Biochemistry*. 4. vydání, WH Freeman, New York 1995.
- [46] Špinková Z.: *Analýza závislosti výskytu onemocnění na antigenech HLA-systému*. Diplomová práce MFF UK, vedoucí J. Zvárová, Praha 1989.
- [47] Thomson G.: Investigation of the mode of inheritance of the HLA association disease by the method of antigen genotype frequencies among individuals. *Tissue Antigens* 21, 1983, 81–104.
- [48] Vajda, I.: *Teória informácie a štatistického rozhodovania*. ALFA, Bratislava 1982.

- [49] Vaňková, M.: *Frekvence alel ve vybraných VNTR a STR lokusech v české populaci*. Diplomová práce PřF UK, vedoucí I. Mazura, Praha 1998.
- [50] Vrbová, M.: *Příspěvek k diagnostice poruch cytochrom-c oxydázy*. Diplomová práce PřF UK, vedoucí J. Zeman, Praha 1999.
- [51] Weir B. S.: *Genetic data analysis II-methods for discrete population genetic data*. Sinauer Associates, Inc., Sunderland 1996.
- [52] Wright S.: Genetics of populations. *Encyclopedia Britanica*, 10, 1948, 111–112.
- [53] Zvárová J.: On measures of statistical dependence. *Časopis pro pěstování matematiky* 99, 1974, 15–29.
- [54] Zvárová J.: *Information measures of stochastic dependence and diversity: Theory and medical informatics applications*, Dizertační práce k získání vědecké hodnosti DrSc., Ústav informatiky AV ČR, Praha 1998.
- [55] Zvárová J.: *Základy statistiky pro biomedicínské obory*. Karolinum, Praha 1998.
- [56] Zvárová J., Zvára K.: Evaluation of knowledge using ExaMe program on the Internet. In: Iakovidies I., Maglavera S. Trakatellis A. (eds.), *User Acceptance of Health Telematics Applications*, IOS Press, Amsterdam, 2000, 145–151.