

Obsah

| | |
|--|-----------|
| 1. Cíl metodiky | 1 |
| 2. Úvod | 2 |
| 3. Vlastní popis metodiky | 3 |
| 3.1. Sledovaná stanoviště | 3 |
| 3.2. Příprava vzorků před extrakcí DNA | 5 |
| 3.3. Chloroform-fenolová extrakce DNA..... | 5 |
| 3.4. Sekvenování 16S rRNA na přístroji Illumina MiSeq..... | 6 |
| 3.5. Bioinformatická analýza dat..... | 7 |
| 3.6. Statistická analýza dat | 13 |
| 4. Vyhodnocení výsledků modelového případu detekce <i>Paenibacillus larvae</i> pomocí nové generace metod sekvenování | 17 |
| 4.1. Získané sekvence 16S rRNA bakteriálního společenstva a popis mikrobiomu dělnic a kukel včely medonosné v morovém pásmu a kontrolních vzorcích mimo morové pásmo. | 17 |
| 4.2. Ovlivňuje výskyt <i>Paenibacillus larvae</i> mikrobiom dělnic včely medonosné? | 36 |
| 4.3. Analýza části společenstva mikrobiomu s potencionálními patogeny | 38 |
| 5. Současná ekonomická náročnost použité metody | 41 |
| 6. Závěr | 41 |
| 7. Seznam použité literatury | 42 |
| 9. Přílohy: | 46 |